

GRAS-Di[®] 技術によるゲノム解析

ゲノムワイドなマーカー探索・選別
連鎖地図作成やQTL解析等サポート

小規模集団でもGRAS-Di[®]解析が可能に!

「GRAS-Di[®]相乗りサービス」受付中!

- リファレンス配列が無い生物種だけどジェノタイピング解析を行いたい
- GRAS-Di[®]技術そのものをもっと知りたい
- GBSやRAD-Seqをトライしたが十分な結果が得られなかった
- 大規模解析を計画しているけど、まずは小規模で試してみたい
- 96サンプルも必要としてない。まずは40~50サンプルでGRAS-Di[®]解析を試したい!

● 解析内容 ●

- ① GRAS-Di[®]技術によるライブラリ調製
- ② シーケンスHiSeq4000を用いたペアエンド解析*
- ③ シーケンスデータ解析

■ 納品物: 「シーケンシング配列データ fastQ形式」と「GRAS-Di[®]解析ソフトによる解析結果 (Excelで閲覧可能な形式)」
ご要望によりSNP抽出解析 (オプション解析)

■ 納期 (目安): シーケンス開始後7~10週間 ■ DNA濃度: 30ng/μl以上 推奨、液量: 20μl以上 推奨

※ 解析ご依頼時期によっては、他機種用のシーケンサーを使用させていただくこともございます。

価格例: 1/2レーン

マルチプレックスバリュープライス

48サンプル **¥330,000** (税別) 1サンプルあたり
約6,800円 (税別)

- 20~25Gb/total、200~250Mread/total
- 1サンプル平均4.1~5.2Mread (目安)/sample ※48サンプルの場合
- 24サンプル (1/4レーン)、32サンプル (1/3レーン)、などのご依頼も可能!*

* 詳しくはお問合せください

GRAS-Di[®]技術の紹介、対応生物種の一覧はこちらから

eurofinsgenomics.jp ▶ 次世代シーケンス ▶ GRAS-Di[®]技術によるゲノム解析

GRAS-Di[®]はトヨタ自動車株式会社の登録商標です。「特開2018-42548」